

NEWSLETTER DU HUB



SOMMAIRE

Nouveaux Membres	<u>2</u>
Groupes transverses	<u>3</u>
Outils	<u>3</u>
Financements	<u>4</u>
Cours	<u>4</u>
Agenda	<u>4</u>
Publications	<u>5</u>

Voici la nouvelle édition de la newsletter.

Bonne lecture.

Vous pouvez retrouver les anciens numéros sur le [site Research dans la section consacrée aux newsletters.](#)

PS : tous les textes soulignés sont des liens hypertextes





Yushi HAN

Yushi est arrivée, pour un stage de 6 mois au sein du groupe Geno. Elle travaille avec Gaël Milot sur un package R.

Localisation : Bâtiment Yersin - 2eme Etage - pièce 24-02-05



Zakary AZMANI

Zakary nous a rejoint pour un stage de 6 mois encadré par Amine Ghozlane et Stevonn Volant pour l'outil SHAMAN

Localisation : Bâtiment Yersin - 2ème étage - pièce 24-02-05



Raphaël TACKX

Raphaël a rejoint le groupe WINTER, en tant qu'OREX IFB. Il travaille sur le projet ABRomics avec Fabien Mareuil.

Localisation : Bâtiment Yersin - 2eme Etage - pièce 24-02-05



Arnaud MENG

Arnaud a rejoint le Hub en tant que détaché à la plateforme métabolomique

Localisation : Bâtiment François Jacob - 2ème étage - pièce 04E



Rania OUAZHROU

Rania a rejoint le Hub en tant que détachée à la plateforme Biomics

Localisation : Bâtiment Omics - Veil - RDC - pièce 04



Daniele CAPOCEFALO

Daniele a rejoint le Hub en tant que détaché au sein du G5 de Laura Cantini

Localisation : Bâtiment Yersin - 6ème étage - pièce 07



Nathalie LEHMANN

Nathalie a rejoint le groupe SysBio.

Localisation : Bâtiment Yersin - 2eme Etage - pièce 24-02-05



Kevin DA SILVA

Kevin a rejoint le Hub, en tant que détaché au sein du CNR Virus des infections respiratoires.

Localisation : Bâtiment François Jacob - 4ème étage - pièce 03D



Juliette BONCHE

Juliette reste au sein du Hub pour 2 ans d'alternance UX/UI. Elle sera encadrée par Rachel Torchet.

Localisation : Bâtiment Yersin - RDC - pièce 03

DATA INTEGRATION



Une mailing liste dédiée a été créée. Si vous êtes intéressé(e), n'hésitez pas à contacter Vincent Guillemot.



Plus d'informations sur la page Research dédiée :



<https://research.pasteur.fr/fr/website/data-integration-group/>

DEEP LEARNING



L'objectif du groupe est de développer des compétences d'apprentissage profond parmi les membres du groupe.

Nous prévoyons d'organiser des réunions mensuelles au cours desquelles nous discuterons de différents projets DL, articles, organiserons des sessions pratiques et des tutoriels.



Si vous souhaitez nous rejoindre ou rester informé, veuillez contacter Andela Davidović ou rejoindre la liste de diffusion.



deep-learning-group@pasteur.fr



<https://research.pasteur.fr/en/project/deep-learning-group/>

INDEEP-NET

Déploiement d'une première version bêta d'Indeep-net, dédiée à l'utilisation d'Indeep un outil utilisant le deep learning pour la prédiction de poche ligandable à la surface des protéines



<https://indeep-net.gpu.pasteur.cloud/>



<https://gitlab.pasteur.fr/hub/indeep-web>



<https://indeep-net.gpu.pasteur.cloud/tutorials>

FINANCEMENTS

PEPR santé numérique ShareFAIR:

Frédéric Lemoine, Thomas Cokelaer, Hervé Ménager.



<https://anr.fr/fr/france-2030/programmes-et-equipements-prioritaires-de-recherche-pepr/santenum-sante-numerique>



ANR JCJC MooreForAll: Renverser la loi d'Eroom :

Construction d'un score d'information génétique pour faciliter la sélection de cible thérapeutique (Hanna Julienne)

COURS PHD



Cours PhD Programme 2023/2024 :

Toutes les infos sont disponibles sur la page research :



<https://research.pasteur.fr/fr/course/bioinformatics-program-for-phd-students/>



23 Octobre 2023 : Common Core
Institut Pasteur, Paris

REPRODUCIBILITY

New reproducibility meeting after the summer :



28th Sept 1pm-2pm (with Mark Ibberson from Vital-IT Lausanne)



Institut Pasteur - Salle CFJ-01-01A



Frédéric LEMOINE frederic.lemoine@pasteur.fr

AGENDA

Dans 3 mois, la fin de l'année sera là. Afin de nous réunir avant, veuillez remplir le sondage suivant :



<https://forms.office.com/e/sSKYeMtLyN>



Nievas F, Revale S, Foresto E, Carezzano ME, Primo E, Alzari P, Martínez M, Ben-Assaya M, Mornico D, Santoro M, Giordano W, Bogino P. **Whole-Genome Sequence of Burkholderia ambifaria Strain Q53, a Potential Plant Growth Promoter Isolated from the Rhizosphere of Peanut.** Microbiol Resour Announc. 2023 May 17; PMID: 37039639; PMCID: PMC10190645.

doi : [10.1128/mra.00021-23](https://doi.org/10.1128/mra.00021-23)

Zhukova, A.; Dunn, D.; Gascuel, O., on behalf of the UK HIV Drug Resistance Database & the Collaborative HIV, Anti-HIV Drug Resistance Network. **Modeling Drug Resistance Emergence and Transmission in HIV-1 in the UK.** Viruses 2023, 15, 1244.

doi : [10.3390/v15061244](https://doi.org/10.3390/v15061244)

Cokelaer, T., Cohen-Boulakia, S., & Lemoine, F. (2023). **Reprohackathons: promoting reproducibility in bioinformatics through training.** Bioinformatics

doi : [10.1093/bioinformatics/btad227](https://doi.org/10.1093/bioinformatics/btad227)

Holtz, A., Baele, G., Bourhy, H., & Zhukova A. **Integrating full and partial genome sequences to decipher the global spread of canine rabies virus.** Nat Commun 14, 4247 (2023).

doi : [10.1038/s41467-023-39847-x](https://doi.org/10.1038/s41467-023-39847-x)

Rolland T, Cliquet F, Anney RJL, Moreau C, Traut N, Mathieu A, Huguet G, Duan J, Warriar V, Portalier S, Dry L, Leblond CS, Douard E, Amsellem F, Malesys S, Maruani A, Toro R, Børghlum AD, Grove J, Baron-Cohen S, Packer A, Chung WK, Jacquemont S, Delorme R, Bourgeron T - **Phenotypic effects of genetic variants associated with autism.** Nat Med 2023 Jun; PMID: 37365347 PMCID: PMC10353945

doi : [10.1038/s41591-023-02408-2](https://doi.org/10.1038/s41591-023-02408-2)

María José Lista, Anne-Caroline Jousset, Mingpan Cheng, Violaine Saint-André, Elouan Perrot, Melissa Rodrigues, Carmelo Di Primo, Danielle Gadelle, Elenia Toccafondi, Emmanuel Segéral, Clarisse Berlioz-Torrent, Stéphane Emiliani, Jean-Louis Mergny & Marc Lavigne. **DNA topoisomerase 1 represses HIV-1 promoter activity through its interaction with a guanine quadruplex present in the LTR sequence.**

Retrovirology 2023 May 30;20(1):10.

doi : [10.1186/s12977-023-00625-8](https://doi.org/10.1186/s12977-023-00625-8)

Zhang, J., Torchet, R., & Julienne, H. (2023). **Gender-based disparities and biases in science: an observational study of a virtual conference.** Plos one, 2023 Jun 7

doi : [10.1371/journal.pone.0286811](https://doi.org/10.1371/journal.pone.0286811)

Patel, B., Soundarajan, S., Ménager, H. et al. **Making Biomedical Research Software FAIR: Actionable Step-by-step Guidelines with a User-support Tool.** Sci Data 10, 557 (2023).

doi : [10.1038/s41597-023-02463-x](https://doi.org/10.1038/s41597-023-02463-x)