

NEWSLETTER DU HUB



SOMMAIRE

<i>Voeux 2023</i>	<u>1</u>
<i>Outils - Sites web</i>	<u>2</u>
<i>Dernières nouvelles</i>	<u>3</u>
<i>Nouveaux Membres</i>	<u>7</u>
<i>Prochainement</i>	<u>8</u>
<i>Publications</i>	<u>9</u>

Bonne Année 2023

Bonne année et bonne santé à tous. Succès prospérité, santé physique et mentale.

Les newsletters reprennent dans le même état d'esprit qu'avant, mais à un rythme désormais trimestriel.

Bonne lecture.

PS : tous les textes soulignés sont des liens hypertextes



COURS



Programme pour les étudiants - Bioinformatique - 2022/2023 :

Toutes les informations sont disponibles sur la page dédiée : <https://research.pasteur.fr/fr/course/bioinformatics-program-for-phd-students-2022-2023/>

17 Février : Prochaine Session - Common Core
Institut Pasteur, Paris



Analyses de données :

Clôture du cours de Data Analysis à l'ENS : les cours ont eu lieu en novembre 2022, les évaluations des étudiants ont été rendues le 31/01. Le cours a été très apprécié par les étudiants.

VISITE



Visite le 26 janvier de David Causeur (Institut Agro Rennes Angers - Département Statistique et Informatique) et de trois étudiant·e·s de Master pour présentation et discussion autour de la déconvolution en RNA-Seq. Ils ont été accueillis au Hub par Emeline et Natalia.

OPENDESK



Chaque Mardi matin de 10h à 12h, (Rez-de-chaussée du Bâtiment Yersin (24)), les ingénieurs du Hub apportent un soutien direct à tout membre de l'Institut Pasteur. Un lien Teams est aussi disponible.

N'oubliez pas de vérifier votre groupe et le calendrier sur la [page Reseach dédiée](#).

WEBCAMPUS



Le Hub possède désormais sa page sur le webcampus. Cette page est accessible à partir de la page de la Direction de la Technologie, dans le menu à droite ou [ici](#).

ÉVÉNEMENTS SCIENTIFIQUES

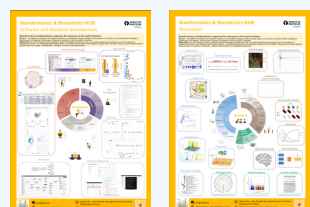
Journée Départementale DBC - 28/11/2022 :

Le 28 Novembre dernier avait lieu la journée départemental du département de Biologie Computationnelle.



OpenDay de la Direction de Technologie - 6/12/2022 :

La 1ère édition de l'Openday de la direction de la technologie, qui a eu lieu le 6 décembre dernier, a été une belle réussite grâce à la participation de l'ensemble des 35 plateformes, UTechS, Hubs et collections de la direction de la technologie, ainsi que des équipes du Grants Office, celles de la direction des applications de la recherche et des relations industrielles (DARRI) et du service de la programmation et des actions incitatives scientifiques (SPAIS) et des visiteurs des unités de recherche venus en nombre pour ce rendez-vous inédit.



Il s'agit d'un événement informel d'une demi-journée permettant aux différents membres des laboratoires de se rencontrer en un seul lieu, et d'échanger avec l'ensemble des entités de la Direction de la Technologie sur leurs besoins spécifiques. Il est destiné à tous les acteurs de la recherche : étudiants en thèse, postdoctorants, techniciens, ingénieurs de recherche, chercheurs, Pls.

Posters disponibles dans Teams

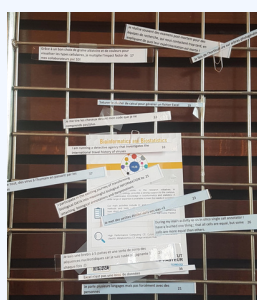
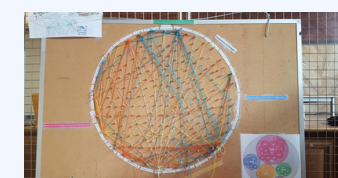
[Hub-->communication-hub -->4.Posters brochures](#)



Journée de la DT - DT retreat - 15/12/2022 :

Le 15 décembre à la Mairie du 15ème arrondissement avait lieu la journée/retraite de la Direction de la Technologie. Après une présentation du Titan, plusieurs moments conviviaux étaient organisés afin de mieux connaître les différentes équipes qui composent la DT.

[Brochure de la DT au format PDF](#)





Christmass Party :

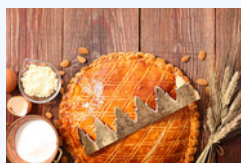
Le 12 décembre 2022 s'est déroulé le repas de Noël du Hub. Secret Santa, Musique, Champagne, petits fours, jeux de société, ... le cocktail parfait pour une soirée réussie.



Galette des rois :



Le 10 Janvier, après la réunion Hub, plusieurs galettes des rois ont été partagées dans l'Agora.



LUNCH BOX



Pour ceux qui ne disposent pas encore de lunch box, une commande a été passée par Mélaïne.
Vous pouvez venir retirer votre lunch box auprès d'Elodie (Bâtiment Yersin- 1er étage - bureau 06)

GROUPE COM' HUB

Après deux appels à candidatures, le groupe Com' a été renouvelé. Merci à Claudia Chica, Sébastien Mella, Natalia Pietrosevoli, et Rachel Torchet pour leur investissement dans le groupe Com' et la mise en place de la grande majorité des supports.

Voici la liste à jour des membres avec leurs rôles :

- Coordinateurs : Amaury et Elise
- Newsletter : Elodie
- Maintenance du site research : Elise
- Communication externe : Pascal
- Communication interne : Emmanuelle
- Pages confluences : Thomas B.
- Pour représenter les détachés : Thomas C. & Johann
- Modérateurs : Hervé et Marie-Agnès

Rappel de ses missions :

- La newsletter : trimestrielle (merci pour vos contributions)
- L'organisation des événements festifs / d'animation
- La représentation du Hub :
 - En interne : journées de département / de la DT, organigramme du Hub, ...
 - En externe : contribution aux slides de présentation, posters, welcome days, journées de département hors DBC, ...
- Il existe une slide de présentation générale du Hub à disposition pour les membres détachés qui présentent aux journées de leur département

Vous pouvez nous contacter à l'adresse comm-hub@pasteur.fr

CORRESPONDANT SID

Au sein du Hub, Natalia Pietrosevoli et Bertrand Néron sont les correspondants Sécurité, Informatique et Data (CSID).

La dernière réunion a eu lieu le 19/12/22. Vous pouvez retrouver un bref compte rendu [ici](#). Plus d'informations sur la [page webcampus](#), [rôle des CSID](#), [liste des CSID](#)

SHORT QUESTIONS

En attendant le retour de cette fonctionnalité au sein de Hub Portal(cf page [2](#)) Olivier Mirabeau est en charge de la gestion des short questions qui arrivent par mail à l'adresse c3bi-ask (avec redirection sur hub@pasteur.fr)



WELCOME

NOUVEAUX MEMBRES



Stephan Fisher

Stephan nous a rejoint, en CDI, le 01/09/22 au sein du pôle GORE.

Localisation : Bâtiment Yersin - RDC - pièce 03

Poste : 96 33



Artem Baidaliuk

Artem nous a rejoint, en CDI, le 01/12/22 dans le G5 Génomique évolutive des virus à ARN.

Localisation : Bâtiment François Jacob - 1er étage - pièce 06

Poste : 97 18



Evangelia Eleftheriou

Evangelia nous a rejoint le 01/09/22 dans le cadre du projet "Milieu Intérieur".

Localisation : Bâtiment Metchnikoff - 4ème étage - pièce 50

Poste : 97 79



Simon Malésys

Simon nous a rejoint, en CDI, le 01/09/22 au sein du pôle WINTER.

Localisation : Bâtiment Yersin - 1er étage - pièce 06



Samar Berreira Ibraim

Samar nous a rejoint, en CDD, le 01/09/22 dans le cadre du projet EMERGEN.

Localisation : Bâtiment François Jacob - 4ème étage - pièce 09B

Poste : 96 32



Julia Kende

Julia nous a rejoint, en CDD, le 12/09/22 au sein du pôle PAGE.

Localisation : Bâtiment Yersin - 1er étage - pièce 06



Elodie Chapeaublanc

Elodie nous a rejoint, en CDI, le 03/10/22 au sein du pôle WINTER.

Localisation : Bâtiment Yersin - 1er étage - pièce 06

Poste : 97 18



Juliette Meyer

Juliette nous a rejoint, en CDI, le 10/10/22 au sein du pôle STATS.

Localisation : Bâtiment Yersin - 1er étage - pièce 09

Poste : 97 53



PROCHAINEMENT : CONFERENCES

RECOMB April 16-19 2023 (Satellite workshop april 14-15) :



La série de conférences RECOMB a été fondée en 1997 afin de fournir un forum scientifique pour les avancées théoriques en biologie computationnelle et leurs applications en biologie moléculaire et en médecine. La conférence sollicite des contributions de recherche dans tous les domaines de la biologie moléculaire computationnelle. Les origines de la conférence proviennent de l'aspect mathématique et computationnel du domaine, et l'accent est toujours mis sur les progrès de la computation. En outre, l'utilisation efficace des techniques informatiques dans la découverte biologique est également un aspect important de la conférence.

La 13e conférence satellite de RECOMB sur l'analyse des séquences biologiques (RECOMB-Seq 2023) se tiendra les 14 et 15 avril 2023 à Istanbul, en Turquie, juste avant la conférence principale de RECOMB. La conférence rassemble les principaux chercheurs en génomique computationnelle et en biologie génomique. L'accent sera mis sur les nouvelles méthodes algorithmiques et statistiques pour l'analyse des données de séquence, la gestion et l'interprétation des données de séquençage ainsi que des génomes assemblés.

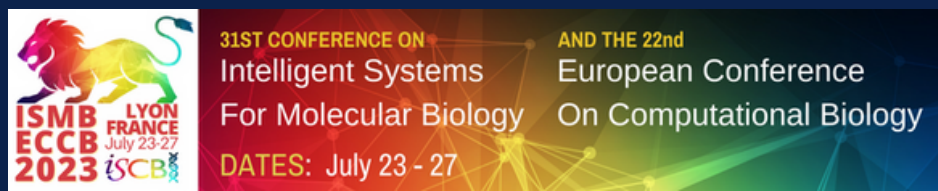
JOBIM June 27 - 30 2023 :



Les Journées Ouvertes en Biologie, Informatique et Mathématiques (JOBIM) sont l'occasion de découvrir les avancées scientifiques et techniques en bioinformatique. Cette session 2023 abordera de nombreux domaines pluridisciplinaires.

Depuis plus de 20 ans, les JOBIM sont l'événement annuel qui fédère la bioinformatique française. L'édition 2023 se tiendra sur 6 sites en France et au Canada du 27 au 30 juin. Les sites retenus sont : Montréal, Nancy, Nice, Pointe à Pitre, Roscoff et Tours.

ISMB/ECCB July 23 -27 2023 :



L'ISMB/ECCB est la plus grande et la plus prestigieuse réunion annuelle de scientifiques travaillant dans le domaine de la biologie computationnelle. Elle offre un forum multidisciplinaire intense pour la diffusion des derniers développements en matière d'outils computationnels pour la recherche biologique basée sur les données. L'accent rigoureux mis par la conférence sur le calcul et la méthodologie, associé à une biologie exceptionnelle, en fait un événement incontournable de l'année ! La conférence ISMB/ECCB 2023 attisera votre curiosité, vous fera découvrir les dernières recherches dans ce domaine et vous permettra de vous connecter, de collaborer et de vous engager.

ISMB/ECCB 2023 se tiendra en personne au Centre de Congrès de Lyon et virtuellement via la plateforme nucleus de l'ISCB.

LES PUBLICATIONS EN LIBRE ACCÈS DE L'INSTITUT PASTEUR

**N'oubliez pas d'ajouter vos publications dans HAL PASTEUR.
Le dépôt est requis pour le COMESP.**



Le portail HAL-Pasteur fait partie de l'archive ouverte nationale HAL. Il permet l'auto-archivage, la diffusion en libre accès et la conservation des travaux de recherche : articles, prépublications, chapitres d'ouvrages, thèses, comptes-rendus de congrès...

Comment soumettre votre publication : [Tutoriel vidéo de 2 min](#)

Liens :

- **Site web :** <https://hal-pasteur.archives-ouvertes.fr/>
- **Poser vos questions à** hal-pasteur@pasteur.fr
- **USER GUIDE :** [Français](#)
- **Documentation Officielle HAL :** [Français](#)
- **Tutorial Vidéos :** <https://doc.archives-ouvertes.fr/tutoriels-video/>
- **Page du CeRIS sur l'Open Access:** [Français](#)
- **Toutes les publications du Hub avec la recherche par structure**

Rappel sur les règles à appliquer concernant les affiliations dans les publications scientifiques

Pour rappel, pour se conformer à cette règle l'affiliation au Hub est la suivante :

Institut Pasteur, Université Paris Cité, Bioinformatics and Biostatistics Hub, F-75015 Paris, France

Par convention, il a été décidé de conserver l'appellation anglaise du Hub. **Aucune variante à cette affiliation n'est possible.**

Toute personne affiliée totalement ou partiellement au Hub DOIT mentionner cette affiliation, et le faire de cette manière. C'est une obligation.

Plus d'informations dans la Note d'organisation 0125 disponible au [format pdf](#).



PUBLICATIONS

Kämpfer P, Lipski A, Lamothe L, Clermont D, Criscuolo A, McInroy JA, Glaeser SP (2022) **Paenibacillus allorhizoplanae sp. nov. from the rhizoplane of a Zea mays root.** Archives of Microbiology. 204(10):630. [doi:10.1007/s00203-022-03225-w](https://doi.org/10.1007/s00203-022-03225-w)

Harimanana A, Rakotondrasoa A, Rivoarilala LO, Criscuolo A, Opatowski L, Rakotomanana EFN, Herindrainy P, Collard JM, Crucitti T, Huynh BT; NeoLIC study group (2022) **Neonatal acquisition of extended-spectrum beta-lactamase-producing Enterobacteriaceae in the community of a low-income country (NeoLIC): protocol for a household cohort study in Moramanga, Madagascar.** BMJ Open. 12(9):e061463. [doi:10.1136/bmjopen-2022-061463](https://doi.org/10.1136/bmjopen-2022-061463)

Savin C, Le Guern AS, Chereau F, Guglielmini J, Heuzé G, Demeure C, Pizarro-Cerdá J (2022) **First Description of a Yersinia pseudotuberculosis Clonal Outbreak in France, Confirmed Using a New Core Genome Multilocus Sequence Typing Method.** Microbiology Spectrum. 10(4):e0114522. [doi:10.1128/spectrum.01145-22](https://doi.org/10.1128/spectrum.01145-22)

Pérot P, Bigot T, Temmam S, Regnault B, Eloit M (2022) **Microseek: A Protein-Based Metagenomic Pipeline for Virus Diagnostic and Discovery.** Viruses. 14(9):1990. [doi:10.3390/v14091990](https://doi.org/10.3390/v14091990)

Simo Tchetchna H, Descorps-Declere S, Selekon B, Garba-Ouangole S, Konamna X, Soungouza M, Tekpa G, Somse P, Nakoune E, Berthet N. **Continuous Circulation of Yellow Fever among Rural Populations in the Central African Republic.** Viruses. 2022 Sep 12;14(9):2014. [doi:10.3390/v14092014](https://doi.org/10.3390/v14092014)

Grzelak L, Roesch F, Vaysse A, Biton A, Legendre R, Porrot F, Commère PH, Planchais C, Mouquet H, Vignuzzi M, Bruel T, Schwartz O. **IRF8 regulates efficacy of therapeutic anti-CD20 monoclonal antibodies.** Eur J Immunol. 2022 Aug 27. [doi: 10.1002/eji.202250037](https://doi.org/10.1002/eji.202250037)

Obadia T, Gutierrez-Bugallo G, Duong V, Nuñez AI, Fernandes RS, Kamgang B, Hery L, Gomard Y, Abbo SR, Jiolle D, Glavinic U, Dupont-Rouzeyrol M, Atyame CM, Pocquet N, Boyer S, Dauga C, Vazeille M, Yébakima A, White MT, Koenraadt CJM, Mavingui P, Vega-Rua A, Veronesi E, Pijlman GP, Paupy C, Busquets N, Lourenço-de-Oliveira R, De Lamballerie X, Failloux AB. **Zika vector competence data reveals risks of outbreaks: the contribution of the European ZIKAlliance project.** Nat Commun. 2022 Aug 2;13(1):4490. [doi: 10.1038/s41467-022-32234-y](https://doi.org/10.1038/s41467-022-32234-y)

PUBLICATIONS

R Arauna L, Bergstedt J, Choin J, Mendoza-Revilla J, Harmant C, Roux M, Mas-Sandoval A, Lémée L, Colleran H, François A, Valentin F, Cassar O, Gessain A, Quintana-Murci L, Patin E. **The genomic landscape of contemporary western Remote Oceanians.** *Curr Biol.* 2022 Sep 8;S0960-9822(22)01377-X.
[doi: 10.1016/j.cub.2022.08.055](https://doi.org/10.1016/j.cub.2022.08.055)

B Néron, R Denise, C Coluzzi, M Touchon, E P.C. Rocha, S S. Abby
MacSyFinder v2: Improved modelling and search engine to identify molecular systems in genomes
bioRxiv 2022.09.02.506364
[doi: 10.1101/2022.09.02.506364](https://doi.org/10.1101/2022.09.02.506364)

Kämpfer P, Glaeser SP, Lipski A, McInroy JA, Clermont D, Criscuolo A (2022) **Sutcliffiella rhizosphaerae sp. nov. isolated from roots.** *International Journal of Systematic and Evolutionary Microbiology.* 72(10).
[doi:10.1099/ijsem.0.005590](https://doi.org/10.1099/ijsem.0.005590)

Chan H, Taib N, Gilmore MC, Mohamed AMT, Hanna K, Luhur J, Nguyen H, Hafiz E, Cava F, Gribaldo S, Rudner D, Rodrigues CDA. **Genetic Screens Identify Additional Genes Implicated in Envelope Remodeling during the Engulfment Stage of *Bacillus subtilis* Sporulation.** *mBio.* 2022 Sep 6:e0173222.
[doi: 10.1128/mbio.01732-22](https://doi.org/10.1128/mbio.01732-22)

Dargél AA, Mosconi E, Volant S, Taieb D, Brenot P. **Sexual dysfunction among males and females with bipolar disorder and healthy subjects: The burden of illness severity.** *Bipolar Disord.* 2022 Sep;24(6):637-646.
[doi: 10.1111/bdi.13249](https://doi.org/10.1111/bdi.13249)

Guglielmini J, Gaia M, Da Cunha V, Criscuolo A, Krupovic M, Forterre P. **Viral origin of eukaryotic type IIA DNA topoisomerases.** *Virus Evolution,* Volume 8, Issue 2, 2022, veac097.
[doi : 10.1093/ve/veac097](https://doi.org/10.1093/ve/veac097)

Dos Reis, R., Kornobis, E., Pereira, A. et al. **Complex regulation of Gephyrin splicing is a determinant of inhibitory postsynaptic diversity.** *Nat Commun* 13, 3507 (2022).
[doi : 10.1038/s41467-022-31264-w](https://doi.org/10.1038/s41467-022-31264-w)





PUBLICATIONS

Donnarumma E, Kohlhaas M, Vimont E, Kornobis E, Chaze T, Gianetto QG, Matondo M, Moya-Nilges M, Maack C, Wai T. **Mitochondrial Fission Process 1 controls inner membrane integrity and protects against heart failure.** Nat Commun. 2022 Nov 4;13(1):6634.

[doi: 10.1038/s41467-022-34316-3](https://doi.org/10.1038/s41467-022-34316-3)

Pipoli da Fonseca J, Kornobis E, Turc E, Enouf V, Lemée L, Cokelaer T, Monot M. **Capturing SARS-CoV-2 from patient samples with low viral abundance: a comparative analysis.** Sci Rep. 2022 Nov 11;12(1):19274.

[doi: 10.1038/s41598-022-23422-3](https://doi.org/10.1038/s41598-022-23422-3)

Feige L, Kozaki T, Dias de Melo G, Guillemot V, Larrous F et al. **Susceptibilities of CNS Cells towards Rabies Virus Infection Is Linked to Cellular Innate Immune Responses.** Viruses, 2022, 15 (1), pp.88.

[doi : 10.3390/v15010088](https://doi.org/10.3390/v15010088)

Collard J-M, Andrianonimiadana L, Habib A, Rakotondrainipiana M, Andriantsalama P et al. **High prevalence of small intestine bacteria overgrowth and asymptomatic carriage of enteric pathogens in stunted children in Antananarivo, Madagascar.** PLoS Neglected Tropical Diseases, 2022, 16 (5), pp.e0009849.

[doi : 10.1371/journal.pntd.0009849](https://doi.org/10.1371/journal.pntd.0009849)

Rai LS, Chauvel M, Permal E, d'Enfert C, Bachellier-Bassi S. **Transcript profiling reveals the role of PDB1, a subunit of the pyruvate dehydrogenase complex in Candida albicans biofilm formation.** Res Microbiol. 2022 Dec 16:104014.

[doi: 10.1016/j.resmic.2022.104014](https://doi.org/10.1016/j.resmic.2022.104014)

Chauvel M, Bachellier-Bassi S, Guérout AM, Lee KK, Maufrais C, Permal E, Da Fonseca JP, Znaidi S, Mazel D, Munro CA, Christophe d'Enfert, Legrand M. **High-throughput functional profiling of the human fungal pathogen Candida albicans genome.** Res Microbiol. 2022 Dec 29:104025.

[doi: 10.1016/j.resmic.2022.104025](https://doi.org/10.1016/j.resmic.2022.104025)

Megrian, D., Taib, N., Jaffe, A.L. et al. **Ancient origin and constrained evolution of the division and cell wall gene cluster in Bacteria.** Nat Microbiol 7, 2114–2127 (2022).

[doi: 10.1038/s41564-022-01257-y](https://doi.org/10.1038/s41564-022-01257-y)